

GINAMO



Genetic Indicators for Nature Monitoring

DURÉE
1/04/2024 – 30/06/2027

BUDGET
211 344€

DESCRIPTION DU PROJET

La diversité génétique au sein des espèces est essentielle au maintien de l'adaptabilité et de la résilience des écosystèmes et constitue l'un des trois piliers de la biodiversité, mais elle est largement ignorée tant dans les politiques que dans la gestion. Dans GINAMO, un projet financé par Biodiversa+ qui a débuté en mars 2024, nous utilisons un processus de co-création pour surveiller la biodiversité génétique avec des indicateurs génétiques. Ces indicateurs sont déjà largement développés et portent a) sur une taille effective minimale de population, N_e , de 500 individus, où N_e est une variable essentielle de la biodiversité permettant de quantifier la perte de diversité génétique, et b) sur le maintien de populations génétiquement distinctes, au sein des espèces.

Dans GINAMO, nous déterminerons d'abord les meilleures pratiques pour obtenir des estimations précises et robustes de N_e pour les espèces à l'aide de données basées sur l'ADN. Pour les espèces ne disposant pas de telles données, nous développerons au mieux des méthodes permettant d'estimer N_e sur la base de sources de données accessibles au public (par exemple, décomptes de la taille de la population, données d'occurrence et données d'observation de la Terre).

Au sein de GINAMO, nous travaillerons avec les parties prenantes et les partenaires pour créer des directives pratiques claires, fondées sur la science et des flux de travail pour estimer les indicateurs génétiques, en nous appuyant sur près de quatre années de travail sur les indicateurs génétiques. Des indicateurs génétiques sont requis pour les rapports au titre de la Convention sur la diversité biologique, qui soutient la directive Habitats de l'UE et les programmes nationaux de gestion de la nature. Ces indicateurs aident à prioriser les espèces pour la gestion génétique, fournissent une indication du statut génétique des espèces dans le pays, suivent les progrès ou les changements au fil du temps et mettent en évidence les besoins de gestion. Nous nous engageons à travailler pleinement avec la communauté des parties prenantes pour produire des ressources (c'est-à-dire des bases de données, des scripts et des lignes directrices) qui répondent à leurs préoccupations, à leurs obligations de rapportage et à leurs besoins de surveillance. Ce processus de co-création sera soutenu par des facilitateurs professionnels (lors d'ateliers dans 5 pays différents) et évalué par des spécialistes des sciences sociales.

GINAMO rassemble ainsi un groupe international de chercheurs, de décideurs politiques et de gestionnaires de la nature et est renforcé par les liens de GINAMO avec COST Action G-BiKE/GENOA, le plus grand réseau européen de gestion de la conservation génétique, composé de plus de 100 chercheurs et praticiens de 42 pays, dont tous Pays de l'UE et 12 pays des régions voisines. GINAMO est également bien connecté à plusieurs initiatives internationales (telles que EuropaBON et la Coalition of Conservation Genetics). Le soutien transnational de la communauté GINAMO, associé à l'approche scientifique ouverte de GINAMO en matière d'intégration de données et de flux de travail standardisés pour le développement d'indicateurs, est très pertinent pour parvenir à l'intégration des indicateurs génétiques dans la politique de biodiversité au niveau international. Le processus de co-création présente également l'avantage de renforcer les liens entre les gestionnaires de la nature au-delà des frontières européennes à travers 1) le transfert de connaissances sur l'application pratique des indicateurs génétiques, 2) l'application efficace des indicateurs génétiques dans les pays européens et 3) les opportunités de coopération efficace sur la gestion des populations au-delà des frontières, basée sur des indicateurs génétiques. GINAMO a ainsi le potentiel de répondre aux problèmes de conservation les plus pertinents à l'échelle continentale et mondiale en mettant en œuvre des solutions de surveillance génétiques pour une utilisation durable de la biodiversité et en atténuant les impacts humains sur la biodiversité.

GINAMO

Une société fonctionnelle dépend de l'absorption et de l'utilisation de connaissances pertinentes. GINAMO vise à combler le fossé entre la théorie et l'application des indicateurs génétiques en développant des outils pratiques, accessibles et coproduits. Cela permettra une mise en œuvre efficace des politiques mondiales et européennes existantes en matière de biodiversité pour le niveau génétique crucial de la biodiversité. Sauvegarder efficacement la diversité génétique grâce à des activités de surveillance contribuera à atteindre les objectifs mondiaux de durabilité tels que les objectifs de développement durable des Nations Unies.

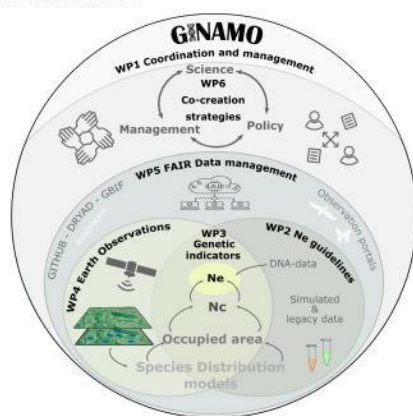


Figure 1. GINAMO's research and co-creation plan: Both DNA-based data and proxy data will be used to establish best practices for genetic indicators to monitor GD, using FAIR (findable, accessible, interoperable, and reusable) principles and providing open science. GINAMO's goals will be achieved by including the policy and management community from the outset.

COORDONNEES

Coordinateur général

Christina Hvilsom

Copenhagen ZOO, Denmark

CH@zoo.dk

<https://www.zoo.dk/om-zoo/organisation-mission-og-vision>

Contribution belge

Peter Galbusera

Koninklijke Maatschappij voor Dierkunde van Antwerpen (KMDA vzw)

peter.galbusera@kmda.org

www.zooscience.be

Joachim Mergeay

Research Institute for Nature and Forest (EV INBO)

joachim.mergeay@inbo.be

<https://www.vlaanderen.be/inbo/en-GB/projects/ginamo-genetic-indicators-for-nature-monitoring-evinbo>

Partenaires

Linda Laikre

Stockholm University, Sweden

linda.laikre@popgen.su.se

<https://www.su.se/english/>

Gernot Segelbacher

University of Freiburg, Germany

gernot.segelbacher@wildlife.uni-freiburg.de

<https://uni-freiburg.de/research/>

Joost Raeymaekers

Nord University, Norway

joost.raeymaekers@nord.no

<https://www.nord.no/en/research>

Alexander Kopatz

Norwegian Institute for Nature Research, Norway

alexander.kopatz@nina.no

<https://www.nina.no/english/Home>

Myriam Heuertz

Institut National de recherche pour l'Agriculture, l'alimentation et l'Environnement (INRAE), France

myriam.heuertz@inrae.fr

<https://www.inrae.fr/en>

Cristiano Vernesi

Fondazione Edmund Mach, Italy

cristiano.vernesi@fmach.it

<https://fmach.it/>

Carina Lundmark

Luleå university of technology, Sweden

carina.lundmark@ltu.se

<https://www.ltu.se/>

Sean Hoban

The Morton Arboretum, USA

shoban@mortonarb.org

<https://mortonarb.org/science/>

LIENS

Biodiversa + : [BiodivMon Call/ Project catalogue](#)
INBO: [GINAMO](#)